

**Relationship of tongue coating microbiome on volatile sulfur compounds in
healthy and halitosis adults**

Wei Ye, Yu Zhang, Mei He, Ce Zhu, Xi-Ping Feng

Table S4. The genus-level Spearman's correlation coefficient between the relative abundance (%) of tongue bacterial and the values of volatile sulfur compounds

	VSC	VSC-P value	H2S	H2S-P value	CH3SH	CH3SH- P value	CH32S	CH32S- P value
g__[Eubacterium]_nodatum_group	0.593	0.001	0.726	0	0.768	0	0.399	0.036
g__Actinomyces	0.164	0.405	0.654	0.879	0.68	0.589	0.289	0.711
g__Aggregatibacter	0.048	0.81	0.524	0.717	0.58	0.336	0.269	0.551
g__Alloprevotella	0.458	0.014	0.411	0.004	0.34	0.001	0.124	0.166
g__Atopobium	0.17	0.388	0.222	0.474	0.275	0.506	0.051	0.194
g__Bergeyella	-0.434	0.021	0.368	0.004	0.367	0.021	0.475	0.491
g__Campylobacter	-0.412	0.029	0.484	0.05	0.573	0.179	0.415	0.102
g__Candidatus_Saccharimonas	-0.252	0.195	0.154	0.526	0.383	0.794	0.186	0.037
g__Capnocytophaga	-0.197	0.316	0.296	0.349	0.279	0.424	0.177	0.744
g__Catonella	0.163	0.408	0.293	0.502	0.245	0.806	0.202	0.367
g__Fusobacterium	0.087	0.66	0.149	0.289	0.099	0.286	0.024	0.787
g__Gemella	0.091	0.645	0.206	0.491	0.204	0.444	0.251	0.996
g__Granulicatella	-0.458	0.014	0.335	0.386	0.4	0.418	0.256	0.427
g__Haemophilus	-0.336	0.08	0.257	0.209	0.384	0.378	0.208	0.595
g__Johnsonella	0.164	0.403	0.141	0.992	0.131	0.562	0.253	0.614
g__Klebsiella	-0.037	0.851	0.03	0.576	0.107	0.772	0.073	0.25
g__Lachnoanaerobaculum	-0.173	0.379	0.002	0.771	0.114	0.656	-0.1	0.182
g__Lautropia	-0.355	0.064	0.132	0.05	-0.049	0.348	0.177	0.718
g__Leptotrichia	0.305	0.114	0.015	0.054	0.046	0.055	-0.021	0.011
g__Megasphaera	0.272	0.161	0.132	0.13	0.128	0.209	0.348	0.303
g__Moraxella	-0.031	0.876	0.203	0.925	-0.036	0.613	-0.178	0.144
g__Neisseria	-0.36	0.06	0.178	0.176	0.138	0.103	-0.095	0.626
g__norank_f__16d63.751	-0.005	0.979	0.136	0.341	0.151	0.483	-0.001	0.864
g__norank_f__Lachnospiraceae	0.282	0.147	0.207	0.126	0.209	0.15	0.054	0.368
g__norank_f__P5D1-392	-0.046	0.817	0.105	0.467	0.206	0.869	-0.03	0.51
g__norank_p__Saccharibacteria	-0.297	0.125	0.072	0.136	0.189	0.489	0.118	0.484
g__norank_p__SR1__Absconditabacteria_	0.356	0.063	0.284	0.257	0.176	0.157	0.235	0.796
g__Oribacterium	-0.128	0.516	0.08	0.207	0.119	0.408	0.192	0.656
g__Parvimonas	0.201	0.305	0.017	0.082	0.009	0.035	0.019	0.189
g__Peptostreptococcus	0.591	0.001	0.071	0	0.047	0	0.031	0.136
g__Porphyromonas	-0.031	0.875	0.187	0.767	0.138	0.461	-0.034	0.773
g__Prevotella	0.291	0.134	0.059	0.009	0.145	0.001	0.057	0.028

g__Prevotella_2	0.052	0.793	0.019	0.595	-0.1	0.293	-0.284	0.878
g__Prevotella_6	0.212	0.278	-0.11	0.292	0.057	0.297	-0.225	0.197
g__Prevotella_7	0.044	0.825	0.143	0.684	0.033	0.548	-0.13	0.328
			-					
g__Pseudomonas	0.289	0.136	0.088	0.433	-0.111	0.044	0.404	0.344
			-					
g__Rothia	-0.309	0.109	0.246	0.264	-0.163	0.149	0.088	0.473
			-					
g__Ruminococcaceae_UCG-014	-0.179	0.362	0.057	0.851	-0.088	0.742	0.26	0.715
			-					
g__Selenomonas_3	0.142	0.472	0.037	0.502	0.065	0.517	0.072	0.07
			-					
g__Serratia	0.131	0.506	0.184	0.301	-0.157	0.856	0.065	0.364
			-					
g__Solobacterium	0.195	0.32	0.125	0.186	-0.052	0.044	0.396	0.288
			-					
g__Stomatobaculum	0.386	0.043	0.289	0.03	-0.136	0.077	0.138	0.531
			-					
g__Streptococcus	-0.313	0.105	0.218	0.196	-0.28	0.341	0.141	0.764
			-					
g__Tannerella	0.15	0.447	0.252	0.938	-0.187	0.818	0.059	0.914
			-					
g__unclassified_f__Neisseriaceae	-0.003	0.987	0.245	0.719	-0.173	0.811	0.105	0.875
			-					
g__unclassified_f__Pasteurellaceae	0.033	0.867	0.374	0.932	-0.184	0.964	-0.071	0.922
			-					
g__unclassified_k__norank	0.108	0.583	0.263	0.365	-0.315	0.483	-0.096	0.63
			-					
g__unclassified_o__Lactobacillales	0.048	0.81	0.374	0.143	-0.262	0.37	0.315	0.228
			-					
g__unclassified_o__Micrococcales	0.218	0.265	0.528	0.45	-0.434	0.616	-0.136	0.902
g__Veillonella	-0.051	0.797	-0.17	0.658	-0.159	0.574	0.156	0.033